



การเปรียบเทียบปริมาณดีเอ็นเอและรูปแบบของແບບນเจลอะคริลามைட் ในเทคนิคปฏิกริยาสูญเช่อพอลีเมอร์เรสร่วมกับดีจีจีอีโดยใช้ดีเอ็นเอ ที่สักดจำกทราบจุลินทรีย์เหนือเหงือกโดยวิธีการสักด 3 วิธี

เข็มทอง มิตรกุล

ท.บ., Cert. in Pediatric Dentistry (CAGS),

D. Sc. D

ภาควิชาทันตกรรมเด็ก

คณะทันตแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล

อังสุมา ชลออยู่

ท.บ., M. Sc. (Dentistry, Major: Pediatric)

ทันตแพทย์เอกชน

บทคัดย่อ

วัตถุประสงค์: เพื่อเปรียบเทียบปริมาณและคุณภาพของดีเอ็นเอของแบคทีเรียในแผ่นทราบจุลินทรีย์ตัวอย่าง ที่ได้จากวิธีการสักด 3 วิธีและเพื่อประเมินว่าดีเอ็นเอหลังสักดด้วยวิธีที่ต่างกันนั้นมีผลต่อรูปแบบและจำนวนແບບນเจลอะคริลามைட் เมื่อวิเคราะห์ด้วยเทคนิคดีจีจีอีหรือไม่

วัสดุอุปกรณ์และวิธีการศึกษา: เก็บแผ่นทราบจุลินทรีย์เหนือเหงือกในกลุ่มเด็กที่มีรอยโรคฟันผุในเด็กอย่างรุนแรงและกลุ่มที่ไม่มีฟันผุ จำนวนทั้งหมด 30 คน โดยแบ่งเป็นกลุ่มละ 15 คน แล้วสักดดีเอ็นเอของเชื้อแบคทีเรียด้วยวิธีการสักด 3 วิธี ได้แก่ การสักดด้วยสารฟินอล คลอโรฟอร์ม ไอโซเอมิลแอลกอฮอล์ และด้วยชุดสักดสำเร็จรูป 2 ชุด คือ ชุดสักดดีเอมป (QIAamp Micro Kit, Qiagen, U.S.A.) และชุดสักดนิวคลีโอสปิน (Nucleospin Genomic Extraction kit, Macherey-Nagel, Germany) จากนั้นนำดีเอ็นเอที่ได้ไปเพิ่มปริมาณด้วยวิธีปฏิกริยาสูญเช่อพอลีเมอร์เรสโดยใช้ไพร์เมอร์หากลที่จับกับ 16S rRNA ของเชื้อแบคทีเรีย 25 สายพันธุ์ที่สัมพันธ์กับโรคฟันผุ วิเคราะห์ผลผลิตปฏิกริยาสูญเช่อพอลีเมอร์เรสนบนเจลอะกอริสเข้มข้นร้อยละ 1 จากนั้น วิเคราะห์ແບບນเจลอะคริลามைด์ด้วยเทคนิคดีจีจีอี โดยมีสัดส่วนความเข้มข้นของเจลตั้งแต่ร้อยละ 30 ถึง 70 (ความต่างคั่กย์ไฟฟ้าที่ 60 โวลต์, อุณหภูมิ 50°C นาน 16 ชั่วโมง) เปรียบเทียบความแตกต่างระหว่างปริมาณและคุณภาพดีเอ็นเอหลังสักด จำนวนແບບນเจลอะคริลามைด์ วิเคราะห์ทางสถิติด้วยโคเรสแควร์ที่ระดับนัยสำคัญ 0.05

ผลการศึกษา: เมื่อตรวจสอบผลผลิตจากปฏิกริยาสูญเช่อพอลีเมอร์เรสเมื่อใช้ดีเอ็นเอหลังสักดจากต่างวิธีกันบน宛如การโรสเจลพบว่าไม่แตกต่างกัน ทั้งนี้ ชุดสักดดีเอมป ชุดสักดนิวคลีโอสปินและการสักดด้วยสารฟินอล คลอโรฟอร์ม ไอโซเอมิลแอลกอฮอล์ ให้ปริมาณดีเอ็นเอหลังสักดตามลำดับ ดังนี้ 4.27 ± 0.1 , 3.57 ± 0.5 , 2.97 ± 0.02 สำหรับจำนวนແບບນเจลอะคริลามைด์ให้ผลจากสูงสุดไปต่ำสุด ตามลำดับ ดังนี้ 30.77 ± 0.7 , 29.37 ± 0.9 , 22.67 ± 2.0 โดยปริมาณดีเอ็นเอหลังสักดและจำนวนແບບที่ปรากฏบันเจลอะคริลามைด นั้นแตกต่างอย่างมีนัยสำคัญ ($p < 0.05$) ระหว่างดีเอ็นเอหลังสักดด้วยชุดสักดดีเอมปและด้วยสารฟินอล คลอโรฟอร์ม ไอโซเอมิลแอลกอฮอล์

บทสรุป: ปริมาณและคุณภาพของดีเอ็นเอของแบคทีเรียและจำนวนແບບที่ขึ้นบนเจลอะคริลามைด์ด้วยเทคนิคดีจีจีอีนั้นแตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญระหว่างดีเอ็นเอที่สักดได้จากชุดสักดดีเอมปและสักดด้วยสารฟินอล คลอโรฟอร์ม ไอโซเอมิลแอลกอฮอล์

รหัสคำ: ปริมาณดีเอ็นเอ, ปฏิกริยาสูญเช่อพอลีเมอร์เรส, เทคนิคดีจีจีอี, แผ่นทราบจุลินทรีย์เหนือเหงือก, รอยโรคฟันผุในเด็กເລື່ອງຍ່າງຮຸນແຮງ

ติดต่อเกี่ยวกับบทความ:

เข็มทอง มิตรกุล

ภาควิชาทันตกรรมเด็ก

คณะทันตแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล

6 ต. โยธี เขตราชเทวี กรุงเทพฯ 10400

โทรศัพท์: 02-200-7821-23

โทรสาร: 02-200-7820

โทรศัพท์มือถือ: 085-256-2922

อีเมล: m.kemthong@yahoo.com

แหล่งเงินทุน: คณะทันตแพทยศาสตร์ มหาวิทยาลัยมหิดล

วันรับเรื่อง: 26 มิถุนายน 2555

วันขอรับการตีพิมพ์: 17 กันยายน 2555



Comparison of DNA yield and band pattern in acrylamide gel in PCR-DGGE technique using extracted DNA from supra gingival plaque using three extraction methods

Kemthong Mitrakul

D.D.S., Cert. in Pediatric Dentistry (CAGS),

D. Sc. D

Department of Pediatric Dentistry,

Faculty of Dentistry, Mahidol University

Aungsumaa Chaloryoo

D.D.S., M. Sc. (Dentistry, Major: Pediatric)

Private practice

Abstract

Objectives: To compare the bacterial DNA yields extracted from three methods and to evaluate whether the different extraction protocols could affect bacterial composition in dental biofilms as shown in acrylamide gel using PCR-DGGE technique.

Materials and methods: Supra gingiva plaque samples from both severe early childhood caries and caries free groups were collected and divided equally to provide replicates for each extraction protocol; phenol-chloroform isoamyl alcohol methods and two commercially available extraction kits which were QIAamp Micro Kit (Qiagen, USA) and Nucleospin Genomic Extraction kit (Macherey-Nagel, Germany). PCR was performed using extracted DNA from three methods as a template using the universal primers which based on 16S rRNA of 25 species associated with dental caries. All PCR products were visually examined on 1% agarose gel. After that, PCR-DGGE technique was performed with the range of denaturing gradient on acrylamide gel from 35 to 70% ($V=60$, $tem=50^{\circ}\text{C}$ running time = 16 hr). DNA yield and amount of bands on acrylamide gel was analyzed statistically using Chi-square test ($p<0.05$).

Results: PCR products on 1% agarose gel were not different when used extracted DNA from three methods as a template. However, extracted DNA by the phenol-chloroform isoamyl alcohol, QIAamp Micro Kit and Nucleospin Genomic Extraction kit gave DNA yields from $4.27\pm0.1>3.57\pm0.5>2.97\pm0.02$, and amount of bands from $30.77\pm0.7>29.37\pm0.9>22.67\pm2.0$, respectively. There were significant differences in both DNA yield and the amount of bands between extracted DNA from phenol-chloroform isoamyl alcohol and QIAamp Micro Kit ($p<0.05$).

Conclusion: DNA quantity efficiency and number of bands using extracted DNA from QIAamp Micro Kit were significantly higher ($p<0.05$) than those from phenol-chloroform isoamyl alcohol.

Keywords: DNA yield, PCR-DGGE, supra gingival plaque, severe early childhood caries

Correspondence author:

Kemthong Mitrakul

Department of Pediatric Dentistry

Faculty of Dentistry, Mahidol University

6 Yothi Street, Ratchathewi,

Bangkok 10400, Thailand.

Tel: 02-200-7821-23

Fax: 02-200-7820

Mobile phone: 085-256-2922

E-mail: mkemthong@yahoo.com

Research grant: Faculty of Dentistry,

Mahidol University

Received: 26 June 2012

Accepted: 17 September 2012